



# รายงานผลการเฝ้าระวังไข้หวัดใหญ่และเชื้อสาเหตุโรคติดเชื้อทางเดินหายใจ

Week no. 8/2567

กองระบาดวิทยา กรมควบคุมโรค กระทรวงสาธารณสุข

สัปดาห์ที่ 8 นำเสนอผลการสุ่มตรวจสายพันธุ์ไข้หวัดใหญ่ ระหว่างเดือนกรกฎาคม 2566 - เดือนมกราคม 2567



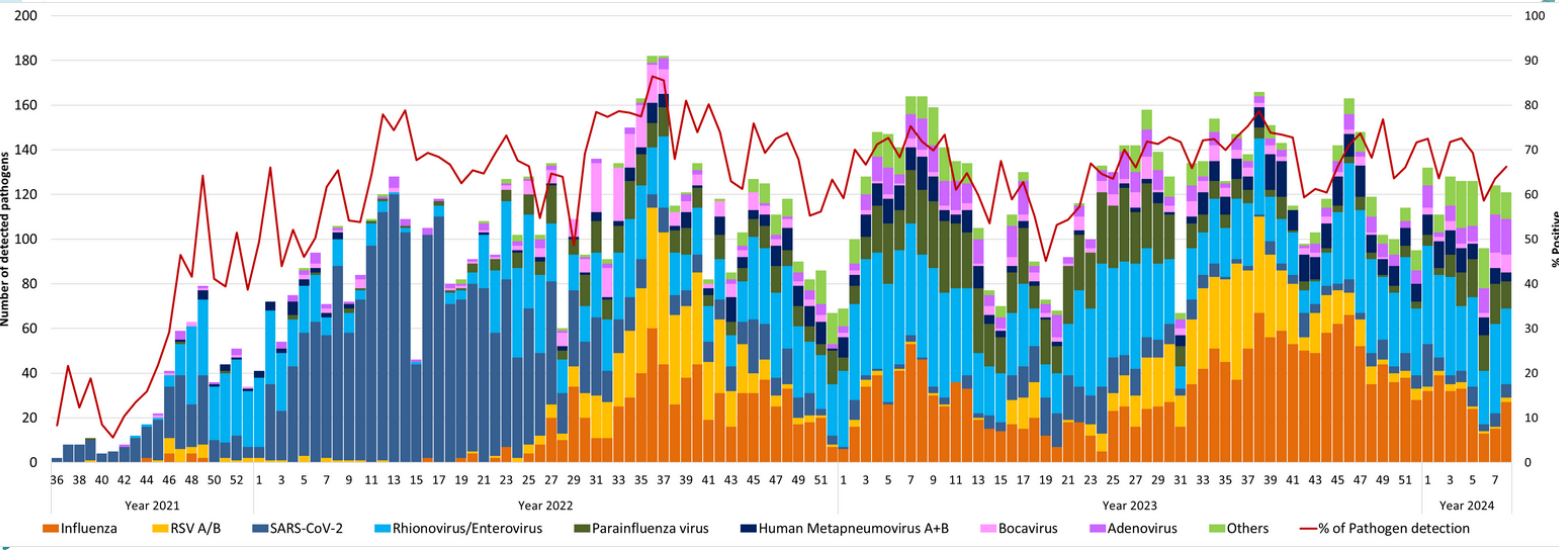
รายงาน ณ วันที่ 27 กุมภาพันธ์ 2567

โครงการการเฝ้าระวังเชื้อสาเหตุโรคติดเชื้อทางเดินหายใจ (Flu projects) ประกอบด้วยหลายโครงการภายใต้ความร่วมมือระหว่างกรมควบคุมโรค โดยกองระบาดวิทยาและสถาบันป้องกันควบคุมโรคเขตเมือง ร่วมกับสถาบันสุขภาพเด็กแห่งชาติมหาราชินี กรมการแพทย์, ศูนย์ศึกษาวิจัยด้านระบาดวิทยา (Nakhon Phanom & DDC Epidemiological Research Unit: NDERU) และโรงพยาบาลในภูมิภาคต่าง ๆ จำนวน 8 โรงพยาบาล โดยได้รับการสนับสนุนจากศูนย์ความร่วมมือ ไทย - สหรัฐด้านสาธารณสุข (Thai MOPH and US CDC Collaboration : TUC)

เฝ้าระวังโดยการเก็บตัวอย่างจากระบบทางเดินหายใจของผู้ที่มาโรงพยาบาลด้วยกลุ่มอาการ Influenza-like illness (ILI), Acute respiratory infection (ARI) และ Severe acute respiratory infection (SARI) จำนวน 120 - 200 ตัวอย่างต่อสัปดาห์ ตรวจหาเชื้อโดยวิธี PCR ด้วยชุดตรวจ Multiplex PCR respiratory panel ซึ่งครอบคลุมเชื้อ 23 ชนิด\*

[\*Influenza A H1N1 pdm2009, H1, H3, B, Coronavirus 4 strains, SARS-CoV-2, RSV, HMPV, Adenovirus, Parainfluenza virus 1,2,3,4, Bocavirus, Rhinovirus/Enterovirus and Bacteria (*M. pneumoniae*, *L. pneumophila*, *B. pertussis*, *C. pneumoniae*)]

ข้อมูลระหว่างวันที่ 1 กันยายน 2564 - 24 กุมภาพันธ์ 2567 ผลตรวจพบเชื้อทั้งหมด 11,387 ตัวอย่าง (63.8%) จากตัวอย่างทั้งหมด 17,838 ตัวอย่าง แสดงดังภาพ



## เชื้อสาเหตุที่พบบ่อย สัปดาห์ที่ 5 - 8

(ระหว่างวันที่ 28 มกราคม - 24 กุมภาพันธ์ พ.ศ. 2567)

จำแนกตามกลุ่มอายุ

Pathogens (N= 465)	Total n (%)	Age group	
		Age < 5yr n = 257 (55.3)	Age > 5yr n = 208 (44.7)
		n (%)	n (%)
Influenza A/B	79 (17.0)	19 (7.4)	60 (28.9)
Influenza A H1N1	8 (10.1)	4 (21.1)	4 (6.7)
Influenza A H3	34 (43.0)	8 (42.1)	26 (43.3)
Influenza B	37 (46.9)	7 (36.8)	30 (50.0)
Rhinovirus/Enterovirus	138 (29.7)	81 (31.5)	57 (27.4)
Parainfluenza virus	63 (13.5)	43 (16.7)	20 (9.6)
Adenovirus	51 (11.0)	37 (14.4)	14 (6.7)
Coronavirus	50 (10.7)	30 (11.7)	20 (9.6)
Human Metapneumovirus A+B	26 (5.6)	14 (5.5)	12 (5.8)
SARS-CoV-2	24 (5.2)	10 (3.9)	14 (6.7)
Bocavirus	18 (3.8)	12 (4.7)	6 (2.9)
mycoplasma	6 (1.3)	5 (1.9)	1 (0.5)
Respiratory Syncytial Virus A+B	5 (1.1)	4 (1.5)	1 (0.5)
Other	5 (1.1)	2 (0.8)	3 (1.4)

หมายเหตุ: ข้อมูลนี้เผยแพร่ให้บุคลากรทางการแพทย์ได้ทราบเชื้อสาเหตุในระบบทางเดินหายใจที่ตรวจพบใน 4 สัปดาห์ที่ผ่านมาในภูมิภาคต่างๆ เพื่อประโยชน์ในการเฝ้าระวัง

## ข้อสรุป และข้อเสนอแนะ

จากผลการสุ่มตรวจสายพันธุ์ไข้หวัดใหญ่ในช่วง 7 เดือนที่ผ่านมา สายพันธุ์ที่พบยังมีความสอดคล้องกับสายพันธุ์ในวัคซีนป้องกันโรคไข้หวัดใหญ่ Southern hemisphere 2023 ที่ใช้ในปัจจุบัน และในช่วง 2 สัปดาห์ที่ผ่านมาเริ่มมีแนวโน้มพบเชื้อไข้หวัดใหญ่เพิ่มขึ้นเล็กน้อย โดยสายพันธุ์ที่พบส่วนใหญ่เป็น Influenza B รองลงมาเป็น Influenza A H3 ร้อยละ 46.9 และร้อยละ 43 ตามลำดับ นอกจากนี้ยังคงพบเชื้อ Rhinovirus/ Enterovirus มากที่สุดในกลุ่มเด็กเล็กอายุน้อยกว่า 5 ปี ดังนั้นประชาชนควรหมั่นดูแลสุขภาพตนเองและบุตรหลานอย่างสม่ำเสมอ เข้ารับการตรวจรักษาและดูแลอนามัยส่วนบุคคลเมื่อเจ็บป่วยเพื่อป้องกันการติดต่อโดยเฉพาะผู้ที่มีความเสี่ยงอาการรุนแรงเมื่อติดเชื้อโรคทางเดินหายใจ

## ผลการสุ่มตรวจสายพันธุ์ไข้หวัดใหญ่ ช่วงเดือนกรกฎาคม 2566 ถึง เดือนมกราคม 2567

ผลการสุ่มตรวจสายพันธุ์โดยกรมวิทยาศาสตร์การแพทย์ ด้วยวิธี whole genome sequencing จากตัวอย่าง PCR positive for influenza ที่มีค่า ct ≤ 25 ในช่วงเดือนกรกฎาคม 2566 ถึง เดือนมกราคม 2567 จากผลตรวจพบเชื้อทั้งหมด 3,683 ตัวอย่าง พบ influenza เท่ากับ 1,321 ตัวอย่าง (35.86%) ได้รับการสุ่มตรวจทั้งหมด 331 ตัวอย่าง (25.1%) รายละเอียดชนิดและสายพันธุ์ ดังแสดงในตาราง

Type/Suotypes n (%)	Strain	n (%)	Clades/Sub-Clades
Influenza A 219 (66.2)			
H1N1	A/sydney/5/2021(H1N1)-like	107 (94.7)	6B.1A.5a.2a
113 (51.6)	A/Victoria/4897/2022-like	3 (2.6)	6B.1A.5a.2a.1
	A/Michigan/45/2015(H1N1)-like	2 (1.8)	
	A/Victoria/2570/2019(H1N1)-like	1 (0.9)	
H3	A/Darwin/9/2021(H3N2)-like	56 (52.8)	3C.2a1b.2a.2a.3a
106 (48.4)	A/Thailand/8/2022(H3N2)-like	48 (45.3)	3C.2a1b.2a.2a.3a.1
	A/Brisbane/10/2007(H3N2)-like	2 (1.9)	3C.2a1b.2a.2b
Influenza B 112 (33.8)	B/Austria/1359417/2021-like	112 (100.0)	V1A.3a.2

\* Vaccine strain: Southern hemisphere 2023; an A/Sydney/5/2021 (H1N1)pdm09-like virus (EPI\_ISL\_7458682); an A/Darwin/9/2021 (H3N2)-like virus (EPI\_ISL\_2233240); a B/Austria/1359417/2021 (B/Victoria lineage)-like virus (EPI\_ISL\_1519459); and a B/Phuket/3073/2013 (B/Yamagata lineage)-like virus (EPI\_ISL\_168822).

